

**Supplementary Table S4a.** Enrichment analysis of molecular function terms based on the top 500 replicated DMCs (according to association p-value in the discovery cohort) with gene name annotation.\*

Molecular function	Molecules	p Value
Enzyme binding GO:0019899	<i>PDE4D;ACACA;TBC1D2;MCM2;RXRA;TBC1D16;ADORA2A;CLU;MAP3K11;FXVD1;PLSCR1;CUL1;STX8;VRK2;ANKFY1;POR;AMBRA1;CBX4;APP;YWHAG;PRDX6;ERLIN1;CRY2;NCOR2;STC2;PRKAA1;PDE4DIP;PRKAG1;CSTA;EIF3A;PRKCZ;SLC12A7;MAP2K6;ATP2A2;RAB11FIP3;SP1;HDAC4;SPTBN1;MAML1;NCK1;NDUFS2;LAX1;KSR1;RCOR1;TBC1D1;RALBP1;KCNQ1;MMS19;RAB13;SMG6;DNMT3B;CACNA1C;ATF7;CALR;GRK5;CAST;RDX;HNRNPUL1;LCK;RUNX2;RUNX3;CCND2;SCARB2;CD44;LRP4;ELANE;PPP1R18;LRPAP1;TNFRSF1B;CDH1;ENO1;SMAD3;EXOC4</i>	4.6E-06
Regulatory region DNA binding GO:0000975	<i>BACH2;ZMYND8;ETS2;ACTN4;BCL11A;RREB1;RFX8;RXRA;GATAD2B;PRDX5;MNT;CBX4;CRY2;NCOR2;ZNF335;ZNF516;CUX1;GABPB1;SP1;ZBTB16;ZNF148;HDAC4;IRF5;RCOR1;NR1I2;NFE2;NFIL3;EHF;ATF7;TCF12;ARID3A;NRF1;AKNA;NR1H3;E2F3;RUNX2;RUNX1;RUNX3;IKZF4;LMO2;SMAD3</i>	4.7E-06
Regulatory region nucleic acid binding GO:0001067	<i>BACH2;ZMYND8;ETS2;ACTN4;BCL11A;RREB1;RFX8;RXRA;GATAD2B;PRDX5;MNT;CBX4;CRY2;NCOR2;ZNF335;ZNF516;CUX1;GABPB1;SP1;ZBTB16;ZNF148;HDAC4;IRF5;RCOR1;NR1I2;NFE2;NFIL3;EHF;ATF7;TCF12;ARID3A;NRF1;AKNA;NR1H3;E2F3;RUNX2;RUNX1;RUNX3;IKZF4;LMO2;SMAD3</i>	5.1E-06
Transcription regulatory region DNA binding GO:0044212	<i>BACH2;ZMYND8;ETS2;ACTN4;BCL11A;RREB1;RFX8;RXRA;GATAD2B;PRDX5;MNT;CBX4;CRY2;NCOR2;ZNF335;ZNF516;CUX1;GABPB1;SP1;ZBTB16;ZNF148;HDAC4;RCOR1;NR1I2;NFE2;NFIL3;EHF;ATF7;TCF12;ARID3A;NRF1;AKNA;NR1H3;E2F3;RUNX2;RUNX1;RUNX3;IKZF4;LMO2;SMAD3</i>	1.0E-05
Transcription factor activity, protein binding GO:0000988	<i>ZMYND8;ACTN4;ACTN1;BCL11A;RXRA;CDYL;MNT;HIPK2;CBX4;CRY2;NCOR2;ZBTB32;HDAC4;MAML1;MED24;RCOR1;PRDM8;NR1I2;NFE2;NFIL3;MMS19;DNMT3B;RIPK3;LIMD1;NR1H3;TFDP1;HIPK3;LMO2;ELANE;ENO1;SMAD3</i>	2.2E-05
Transcription corepressor activity GO:0003714	<i>ZMYND8;BCL11A;CDYL;MNT;HIPK2;CBX4;NCOR2;ZBTB32;HDAC4;RCOR1;PRDM8;NFIL3;DNMT3B;LIMD1;HIPK3; ELANE;ENO1</i>	2.3E-05

\*Functional gene-set enrichment analysis was performed using the ToppGene Suite database <https://toppgene.cchmc.org>

**Supplementary Table S4b.** Enrichment analysis of biological process terms based on the top 500 replicated DMCs (according to association p-value in the discovery cohort) with gene name annotation.\*

Biological process	Molecules	p Value
Leukocyte activation GO:0045321	<i>PDCD1;HLA-DMB;TUSC2;HLX;BCL11A;CD83;ADORA2A;PRAM1;FCER1G;CLU;FCGR3B;MAD1L1;FES;AIF1;PLSCR1;PILRB;SFTPD;ZBTB32;PIK3R6;PRF1;ZNF335;PRKCZ;ZBTB16;IMPDH1;HDAC4;TNFSF13;AZU1;NCK1;LAX1;PTPRE;ZFP36L1;DOCK2;LST1;RIPK3;NR1H3;LCK;RUNX2;LFNG;NLRP3;CORO1A;CD247;CD44;LY9;SMAD3;CDK6</i>	3.8E-08
Cell activation GO:0001775	<i>PDCD1;HLA-DMB;TUSC2;HLX;ACTN1;BCL11A;CD83;ADORA2A;PRAM1;FCER1G;CLU;FCGR3B;MAD1L1;FES;AIF1;PLSCR1;PILRB;SFTPD;ZBTB32;PIK3R6;PRF1;ZNF335;PRKCZ;ZBTB16;IMPDH1;HDAC4;TNFSF13;AZU1;NCK1;LAX1;PTPRE;ZFP36L1;FERMT3;GP9;DOCK2;LST1;RIPK3;CAST;NR1H3;LCK;RUNX2;LFNG;NLRP3;CORO1A;CD247;CD44;UBASH3B;LY9;SMAD3;CDK6</i>	9.0E-08
Leukocyte cell-cell adhesion GO:0007159	<i>PDCD1;HLA-DMB;HLX;BCL11A;CD83;ADORA2A;S100A8;FCER1G;FCGR3B;MAD1L1;AIF1;SFTPD;ZBTB32;PIK3R6;PRKCZ;ZBTB16;NCK1;LAX1;ZFP36L1;FERMT3;DOCK2;RIPK3;LCK;RUNX2;OLR1;LFNG;NLRP3;CORO1A;CD247;CD44;ELANE;LY9;SMAD3;CDK6</i>	9.1E-08
Immune response GO:0006955	<i>PDCD1;PDE4D;HLA-DMB;MAPKAPK2;CLEC5A;OSCAR;HLX;CD83;MEFV;NLRC4;S100A8;PRAM1;FCER1G;CLU;FCGR3B;FCGRT;FES;AIF1;TRIM38;PLSCR1;WDFY1;CUL1;ANG;WIPF1;SFTPD;APP;FASLG;IFI27;AQP9;IFNGR2;PIK3R6;PRF1;PRKCZ;CTSG;MAP2K6;MX1;TNFSF13;TRIM26;AZU1;PSMB7;IRF5;NCK1;KDM6B;ELMO1;LAX1;NFIL3;C4BPA;IFI44L;DOCK2;LST1;TCF12;RIPK3;CAMK2G;NR1H3;LCK;TRIM27;LFNG;NLRP3;CORO1A;CD247;CD44;TREM2;TREM1;ELANE;LTA;TNFRSF1B;LY9;SMAD3</i>	9.8E-08
Defense response GO:0006952	<i>MAPKAPK2;CLEC5A;TUSC2;CD83;RXRA;MEFV;NLRC4;MICU1;ADORA2A;S100A8;FCER1G;CLU;FCGR3B;HP;FES;AIF1;PRDX5;TRIM38;PLSCR1;WDFY1;MPO;CUL1;ANG;ATG7;SFTPD;APP;IFI27;IFNGR2;PIK3R6;CSF3R;PRF1;PRKCZ;CTSG;MAP2K6;MX1;ZNF148;HDAC4;TRIM26;AZU1;PSMB7;IRF5;KDM6B;PXX;ELMO1;PTPRCAP;KCNQ1;C4BPA;IFI44L;GNG7;DOCK2;TBXA2R;UACA;CAMK2G;NR1H3;LCK;TRIM27;OLR1;NLRP3;CORO1A;CD247;CD44;APOL3;TREM2;TREM1;ELANE;HRH4;LTA;TNFRSF1B;LY9;SMAD3</i>	1.3E-07
Vesicle-mediated transport GO:0016192	<i>HIP1;MAPKAPK2;TBC1D2;TUSC2;ACTN4;ACTN1;TBC1D16;ADORA2A;PRAM1;MIA2;TC2N;FCER1G;CLU;HP;FCGRT;OSBPL5;FES;AIF1;CCDC93;STX8;ANKFY1;WIPF1;ATG7;SFTPD;ITSN1;TMEM79;APP;SEC22A;SCARF1;PPT1;PRKAA1;ARHGAP27;ATP2A2;CTSZ;CUX1;RAB11FIP3;MYO7A;AZU1;SPTBN1;NCK1;ELMO1;RAB10;SEC24D;STX5;TBC1D1;RALBP1;C4BPA;GNAI3;RAB13;DOCK2;CACNA1C;CALR;RDX;NR1H3;TRIM27;OLR1;ERGIC1;CORO1A;CD247;SEC22C;TREM2;LRP4;ELANE;LRPAP1;EXOC4</i>	2.6E-07
Positive regulation of gene expression GO:0010628	<i>ERCC3;RPS6KA2;ETS2;BCL11A;RREB1;SSBP3;RXRA;NLRC4;S100A8;CLU;RAPGEF3;AFF1;TRIM38;PLSCR1;SERTAD3;HIPK2;APP;ERLIN1;MAPRE3;NCOR2;MICAL2;ZNF516;PRKAA1;PRKAG1;PRKCZ;EIF4G3;GABPB1;DCP1A;TET2;SP1;ZBTB16;ZNF148;HDAC4;TRIM26;AZU1;MAML1;IRF5;NCK1;KDM6B;MED24;NR112;NFE2;NFIL3;EHF;LBH;MMS19;</i>	6.1E-07

	<i>NOTCH4;DNMT3B;TCF12;RIPK3;ARID3A;NRF1;CALR;AKNA;RDX;NR1H3;E2F3;LCK;RUNX2;RUNX1;TEAD3;RUNX3;TRIM27;TFDP1;NLRP3;IKZF4;ABLIM1;BRF1;LMO2;SUPT16H;CD44;ASXL2;CDH1;SMAD3;CDK6</i>	
Leukocyte aggregation GO:0070486	<i>PDCD1;HLA-DMB;HLX;BCL11A;CD83;ADORA2A;S100A8;FCER1G;FCGR3B;MAD1L1;AIF1;SFTPD;ZBTB32;PIK3R6;PRKCZ;ZBTB16;NCK1;LAX1;ZFP36L1;DOCK2;RIPK3;LCK;RUNX2;LFNG;NLRP3;CORO1A;CD247;CD44;LY9;SMAD3;CDK6</i>	6.3E-07
Neutrophil mediated cytotoxicity GO:0070942	<i>TUSC2;CTSG;AZU1;TREM1;ELANE</i>	6.4E-07
Regulation of immune system process GO:0002682	<i>PDCD1;PDE4D;HLA-DMB;MAPKAPK2;OSCAR;HLX;CD83;NLRC4;ADORA2A;PRAM1;FCER1G;CLU;FCGR3B;FCGRT;MAD1L1;FES;AIF1;TRIM38;PLSCR1;WDFY1;CUL1;WIPF1;ATG7;PILRB;SFTPD;IFNGR2;PIK3R6;CSF3R;ZNF335;PRKCZ;CTSG;MAP2K6;ZBTB16;TNFSF13;PSMB7;NCK1;ELMO1;LAX1;RCOR1;PTPRE;KCNQ1;C4BPA;DOCK2;LST1;RIPK3;CALR;NR1H3;LCK;RUNX1;TRIM27;NLRP3;CORO1A;CD247;LMO2;CD44;TREM2;TREM1;ELANE;LTA;ASXL2;UBASH3B;SMAD3;CDK6</i>	1.0E-06
Positive regulation of macromolecule biosynthetic process GO:0010557	<i>ERCC3;MAPKAPK2;ETS2;BCL11A;RREB1;SSBP3;RXRA;NLRC4;S100A8;CLU;RAPGEF3;AFF1;PRDX5;TRIM38;PLSCR1;SERTAD3;HIPK2;APP;ERLIN1;MAPRE3;NCOR2;MICAL2;ZNF516;PRKCZ;EIF4G3;MAP2K6;GABPB1;DCP1A;TET2;SP1;ZBTB16;ZNF148;HDAC4;TRIM26;AZU1;MAML1;IRF5;NCK1;KDM6B;MED24;NR1I2;NFE2;EHF;LBH;MMS19;NOTCH4;TCF12;RIPK3;ARID3A;NRF1;CALR;AKNA;NR1H3;E2F3;RUNX2;RUNX1;TEAD3;RUNX3;TRIM27;TFDP1;NLRP3;IKZF4;ABLIM1;BRF1;LMO2;SUPT16H;ELANE;ASXL2;LTBP1;CDH1;SMAD3</i>	1.0E-06
Positive regulation of cell death GO:0010942	<i>PDCD1;HIP1;ERCC3;RPS6KA2;TRPM2;RXRA;NLRC4;ADORA2A;S100A8;CLU;HP;MAP3K11;PLSCR1;ATG7;ITSN1;TRIM39;FASLG;IFI27;YWHAQ;LZTS2;MAP2K6;ZBTB16;HDAC4;IRF5;NCK1;DHODH;ITM2C;RIPK3;UACA;LCK;RUNX3;TFDP1;NLRP3;CD44;LTA;LTK;SMAD3</i>	1.1E-06
Positive regulation of biosynthetic process GO:0009891	<i>ERCC3;MAPKAPK2;ETS2;BCL11A;RREB1;SSBP3;RXRA;NLRC4;ADORA2A;S100A8;CLU;RAPGEF3;AIF1;AFF1;PRDX5;TRIM38;PLSCR1;SERTAD3;HIPK2;POR;APP;ERLIN1;MAPRE3;NCOR2;MICAL2;ZNF516;PRKAA1;PRKCZ;EIF4G3;MAP2K6;GABPB1;DCP1A;TET2;SP1;ZBTB16;ZNF148;HDAC4;TRIM26;AZU1;MAML1;IRF5;NCK1;KDM6B;MED24;NR1I2;NFE2;EHF;LBH;MMS19;NOTCH4;TCF12;RIPK3;ARID3A;NRF1;CALR;AKNA;NR1H3;E2F3;RUNX2;RUNX1;TEAD3;RUNX3;ECE1;TRIM27;TFDP1;NLRP3;IKZF4;ABLIM1;BRF1;LMO2;SUPT16H;ELANE;ASXL2;LTBP1;CDH1;SMAD3</i>	1.2E-06
T cell activation GO:0042110	<i>PDCD1;HLA-DMB;HLX;BCL11A;CD83;ADORA2A;FCER1G;FCGR3B;MAD1L1;AIF1;SFTPD;ZBTB32;PIK3R6;PRKCZ;ZBTB16;NCK1;LAX1;ZFP36L1;DOCK2;RIPK3;LCK;RUNX2;LFNG;NLRP3;CORO1A;CD247;CD44;LY9;SMAD3;CDK6</i>	1.4E-06
Lymphocyte aggregation GO:0071593	<i>PDCD1;HLA-DMB;HLX;BCL11A;CD83;ADORA2A;FCER1G;FCGR3B;MAD1L1;AIF1;SFTPD;ZBTB32;PIK3R6;PRKCZ;ZBTB16;NCK1;LAX1;ZFP36L1;DOCK2;RIPK3;LCK;RUNX2;LFNG;NLRP3;CORO1A;CD247;CD44;LY9;SMAD3;CDK6</i>	1.4E-06
Immune system development GO:0002520	<i>PDCD1;CLEC5A;TUSC2;HLX;ACTN1;BCL11A;CD83;SSBP3;FCER1G;MAD1L1;FES;PLSCR1;ATG7;PILRB;HIPK2;ZBTB32;PIK3R6;CSF3R;PRKCZ;TET2;SP1;ZBTB16;HDAC4;TNFSF13;RCOR1;ZFP36L1;NOTCH4;DOCK2;CACNA1C;RIPK3;LCK;RUNX2;RUNX1;RUNX3;LFNG;NLRP3;LMO2;CD44;TREM2;LTA;ASXL2;UBASH3B;LY9;SMAD3;CDK6</i>	1.7E-06
Lymphocyte activation GO:0046649	<i>PDCD1;HLA-DMB;TUSC2;HLX;BCL11A;CD83;ADORA2A;FCER1G;FCGR3B;MAD1L1;AIF1;SFTPD;ZBTB32;PIK3R6;PRF1;ZNF335;PRKCZ;ZBTB16;IMPDH1;HDAC4;TNFSF13;NCK1;LAX1;ZFP36L1;DOCK2;LST1;RIPK3;LCK;RUNX2;LFNG;NLRP3;CORO1A;CD247;CD44;LY9;SMAD3;CDK6</i>	1.7E-06

Response to external biotic stimulus GO:0043207	<i>PDE4D;MAPKAPK2;TUSC2;NLRC4;S100A8;FCER1G;CLU;FCGR3B;HP;TRIM38;PLSCR1;MPO;ANG;WIPF1;ATG7;SFTPD;APP;FASLG;ARG1;IFNGR2;PRF1;CTSG;MX1;GJB6;AZU1;IRF5;NCK1;ELMO1;KCNQ1;IFI44L;DOCK2;TBXA2R;NRF1;NR1H3;HNRNPUL1;LCK;NLRP3;CD247;TREM2;TREM1;ELANE;LTA;TNFRSF1B;ENO1;SMAD3;CDK6</i>	2.0E-06
Killing by host of symbiont cells GO:0051873	<i>TUSC2;CTSG;AZU1;TREM1;ELANE</i>	2.3E-06
Regulation of cell death GO:0010941	<i>PDCD1;HIP1;ERCC3;CLEC5A;RPS6KA2;TRPM2;ACTN4;ACTN1;RXRA;NLRC4;ADORA2A;S100A8;FCER1G;CLU;HP;RAPGEF3;AIF1;MAP3K11;PRDX5;PLSCR1;MNT;VDAC2;MPO;ABCC1;ATG7;ITSN1;HIPK2;POR;AMBRA1;TRIM39;CBX4;FASLG;IFI27;YWHAG;PPT1;PRKAA1;PRKCZ;LZTS2;MAP2K6;ZBTB16;HDAC4;AZU1;IRF5;NCK1;NEO1;DHODH;ITM2C;RIPK3;UACA;CALR;GRK5;CAST;PAM16;LCK;RUNX3;TFDP1;NLRP3;HIPK3;CORO1A;CD44;LTA;LTK;TNFRSF1B;CDH1;DEDD;SMAD3</i>	2.5E-06
Positive regulation of nucleic acid-templated transcription GO:1903508	<i>ERCC3;ETS2;BCL11A;RREB1;SSBP3;RXRA;NLRC4;S100A8;CLU;RAPGEF3;AFF1;TRIM38;PLSCR1;SERTAD3;HIPK2;APP;ERLIN1;MAPRE3;MICAL2;ZNF516;PRKCZ;GABPB1;DCP1A;TET2;SP1;ZBTB16;ZNF148;HDAC4;TRIM26;MAML1;IRF5;NCK1;KDM6B;MED24;NR112;NFE2;EHF;LBH;MMS19;NOTCH4;TCF12;RIPK3;ARID3A;NRF1;AKNA;NR1H3;E2F3;RUNX2;RUNX1;TEAD3;RUNX3;TRIM27;TFDP1;NLRP3;IKZF4;ABLIM1;BRF1;LMO2;SUPT16H;ASXL2;CDH1;SMAD3</i>	3.3E-06
Positive regulation of apoptotic process GO:0043065	<i>PDCD1;HIP1;ERCC3;RPS6KA2;RXRA;NLRC4;ADORA2A;S100A8;CLU;MAP3K11;PLSCR1;ATG7;ITSN1;TRIM39;FASLG;IFI27;YWHAG;MAP2K6;ZBTB16;HDAC4;IRF5;NCK1;DHODH;ITM2C;RIPK3;UACA;LCK;RUNX3;TFDP1;NLRP3;CD44;LTA;LTK;SMAD3</i>	4.2E-06
Positive regulation of RNA biosynthetic process GO:1902680	<i>ERCC3;ETS2;BCL11A;RREB1;SSBP3;RXRA;NLRC4;S100A8;CLU;RAPGEF3;AFF1;TRIM38;PLSCR1;SERTAD3;HIPK2;APP;ERLIN1;MAPRE3;MICAL2;ZNF516;PRKCZ;GABPB1;DCP1A;TET2;SP1;ZBTB16;ZNF148;HDAC4;TRIM26;MAML1;IRF5;NCK1;KDM6B;MED24;NR112;NFE2;EHF;LBH;MMS19;NOTCH4;TCF12;RIPK3;ARID3A;NRF1;AKNA;NR1H3;E2F3;RUNX2;RUNX1;TEAD3;RUNX3;TRIM27;TFDP1;NLRP3;IKZF4;ABLIM1;BRF1;LMO2;SUPT16H;ASXL2;CDH1;SMAD3</i>	4.9E-06
Pinocytosis GO:0006907	<i>MAPKAPK2;ACTN4;ANKFY1;PPT1;DOCK2;NR1H3</i>	5.0E-06
Phagocytosis GO:0006909	<i>TUSC2;ADORA2A;FCER1G;AIF1;WIPF1;ATG7;SFTPD;MYO7A;AZU1;NCK1;ELMO1;C4BPA;DOCK2;CALR;NR1H3;CORO1A;CD247;TREM2;ELANE</i>	5.2E-06
Positive regulation of programmed cell death GO:0043068	<i>PDCD1;HIP1;ERCC3;RPS6KA2;RXRA;NLRC4;ADORA2A;S100A8;CLU;MAP3K11;PLSCR1;ATG7;ITSN1;TRIM39;FASLG;IFI27;YWHAG;MAP2K6;ZBTB16;HDAC4;IRF5;NCK1;DHODH;ITM2C;RIPK3;UACA;LCK;RUNX3;TFDP1;NLRP3;CD44;LTA;LTK;SMAD3</i>	5.2E-06
Regulation of apoptotic process GO:0042981	<i>PDCD1;HIP1;ERCC3;CLEC5A;RPS6KA2;ACTN4;ACTN1;RXRA;NLRC4;ADORA2A;S100A8;FCER1G;CLU;RAPGEF3;AIF1;MAP3K11;PRDX5;PLSCR1;MNT;VDAC2;MPO;ATG7;ITSN1;HIPK2;POR;AMBRA1;TRIM39;CBX4;FASLG;IFI27;YWHAG;PPT1;PRKAA1;PRKCZ;MAP2K6;ZBTB16;HDAC4;AZU1;IRF5;NCK1;DHODH;ITM2C;RIPK3;UACA;CALR;GRK5;CAST;PAM16;LCK;RUNX3;TFDP1;NLRP3;HIPK3;CORO1A;CD44;LTA;LTK;TNFRSF1B;CDH1;DEDD;SMAD3</i>	5.6E-06

Response to biotic stimulus GO:0009607	<i>PDE4D;MAPKAPK2;TUSC2;NLRC4;S100A8;FCER1G;CLU;FCGR3B;HP;TRIM38;PLSCR1;MPO;ANG;WIPF1;ATG7;SFTPD;APP;FASLG;ARG1;IFNGR2;PRF1;CTSG;MX1;GJB6;AZU1;IRF5;NCK1;ELMO1;KCNQ1;IFI44L;DOCK2;TBXA2R;NRF1;NR1H3;HNRNPUL1;LCK;NLRP3;CD247;TREM2;TREM1;ELANE;LTA;TNFRSF1B;ENO1;SMAD3;CDK6</i>	6.0E-06
Regulation of programmed cell death GO:0043067	<i>PDCD1;HIP1;ERCC3;RPS6KA2;RXRA;NLRC4;ADORA2A;S100A8;CLU;MAP3K11;PLSCR1;ATG7;ITSN1;TRIM39;FASLG;IFI27;YWHAG;MAP2K6;ZBTB16;HDAC4;IRF5;NCK1;DHODH;ITM2C;RIPK3;UACA;LCK;RUNX3;TFDP1;NLRP3;CD44;LTA; LTK;SMAD3</i>	7.9E-06
Positive regulation of cellular biosynthetic process GO:0031328	<i>ERCC3;MAPKAPK2;ETS2;BCL11A;RREB1;SSBP3;RXRA;NLRC4;ADORA2A;S100A8;CLU;RAPGEF3;AIF1;AFF1;TRIM38;PLSCR1;SERTAD3;HIPK2;POR;APP;ERLIN1;MAPRE3;NCOR2;MICAL2;ZNF516;PRKCZ;EIF4G3;GABPB1;DCP1A;TET2;SP1;ZBTB16;ZNF148;HDAC4;TRIM26;AZU1;MAML1;IRF5;NCK1;KDM6B;MED24;NR1I2;NFE2;EHF;LBH;MMS19;NOTCH4;TCF12;RIPK3;ARID3A;NRF1;CALR;AKNA;NR1H3;E2F3;RUNX2;RUNX1;TEAD3;RUNX3;ECE1;TRIM27;TFDP1;NLRP3;IKZF4;ABLIM1;BRF1;LMO2;SUPT16H;ELANE;ASXL2;CDH1;SMAD3</i>	8.2E-06
Neutrophil mediated killing of bacterium GO:0070944	<i>TUSC2;CTSG;AZU1;TREM1</i>	8.2E-06
Response to oxygen-containing compound GO:1901700	<i>PDE4D;ACACA;MAPKAPK2;RPS6KA2;TRPM2;CHRM3;RXRA;WNT5B;S100A8;SSH1;FCGR3B;HP;RAPGEF3;AIF1;PRDX5;MPO;ATG7;POR;APP;FASLG;YWHAG;AQP9;PRDX6;SLC2A5;ARG1;CRY2;STC2;SLC34A1;PRKAA1;PRKCZ;CTSG;MAP2K6;ATP2A2;GJB6;IRF5;KDM6B;BDH1;PRDM2;RAB10;PTPRE;KCNE1;KCNQ1;GNAI2;GNG7;RAB13;AGTRAP;DNMT3B;TBXA2R;NRF1;CALR;NR1H3;LCK;RUNX1;OLR1;NLRP3;P2RY6;TREM2;ELANE;HRH4;LTA;LTK;TNFRSF1B;CDH1</i>	9.5E-06
Regulation of cell adhesion GO:0030155	<i>PDCD1;HLA-DMB;HLX;ACTN4;CD83;RREB1;ADORA2A;MAD1L1;FES;AIF1;PLXNB1;SFTPD;PIK3R6;PRKCZ;ZBTB16;AZU1;NCK1;LAX1;NID1;TBCD;FERMT3;RIPK3;CALR;LAMA3;RDX;LCK;NLRP3;CORO1A;CD247;CD44;ELANE;UBASH3B;CDH1;SMAD3;CDK6</i>	9.6E-06

\*Functional gene-set enrichment analysis was performed using the ToppGene Suite database <https://toppgene.cchmc.org>